

5' G TTT TAC CCA GAG GGC CCT GCG ACG CCT TTC TCC GCT AAC GGC GCC GCT 54
 9 27 36 45
 CCC CGC TCC TCC CCA GCC ATG GCG TTC ACG TTC GCG GCC TTC TGC TAC ATG 108
 63 72 81 90 99
 M A F T F A A F C Y M
 117 126 135 144 153 162
 CTG GCG CTG CTG CTC ACT GCC GCG CTC ATC TTC TTC GCG ATT TGG CAC ATT ATA
 L A L L T A A A L I F F A I W H I I
 171 180 189 198 207 216
 GCA TTT GAT GAG CTG AAG ACT GAT TAC AAG AAT CCT ATA GAC CAG TGT AAT ACC
 A F D E L K T D Y K N P I D Q C N T
 225 234 243 252 261 270
 CTG AAT CCC CTT GTA CTC CCA GAG TAC CTC ATC CAC GCT TTC TTC TGT GTC ATG
 L N P L V L P E Y L I H A F F C V M
 279 288 297 306 315 324
 TTT CTT TGT GCA GAG TGG CTT ACA CTG GGT CTC AAT ATG CCC CTC TTG GCA
 F L C A A E W L T L G L N M P L L A
 333 342 351 360 369 378
 TAT CAT ATT TGG AGG TAT ATG AGT AGA CCA GTG ATG AGT GGC CCA GGA CTC TAT
 Y H I W R Y M S R P V M S G P G L Y

FIGURE 1A

387	396	405	414	423	432
GAC CCT ACA ACC ATC ATG AAT GCA GAT ATT CTA GCA TAT TGT CAG AAG GAA GGA					
D P T T I M N A D I L A Y C Q K E G					
441	450	459	468	477	486
TGG TGC AAA TTA GCT TTT TAT CTT CTA GCA TTT TTT TAC TAC CTA TAT GGC ATG					
W C K L A F Y L L A A F F Y Y L Y G M					
495	504	513	522	531	540
ATC TAT GTT TTG GTG AGC TCT TAG AAC AAC ACA CAG AAG AAT TGG TCC AGT TAA					
I Y V L V S S					
549	558	567	576	585	594
GTG CAT GCA AAA AGC CAC CAA ATG AAG GGA TTC TAT CCA GCA AGA TCC TGT CCA					
603	612	621	630	639	648
AGA GTA GCC TGT GGA ATC TGA TCA GTT ACT TTA AAA AAT GAC TCC TTA TTT TTT					
657	666	675	684	693	702
AAA TGT TTC CAC ATT TTT GCT TGT GGA AAG ACT GTT TTC ATA TGT TAT ACT CAG					
711	720	729	738	747	756
ATA AAG ATT TTA AAT GGT ATT ACG TAT AAA TTA ATA TAA AAT GAT TAC CTC TGG					
765	774	783	792	801	810
TGT TGA CAG GTT TGA ACT TGC ACT TCT TAA GGA ACA GCC ATA ATC CTC TGA ATG					

FIGURE 1B

819	828	837	846	855	864
ATG CAT TAA TTA CTG ACT GTC CTA GTA CAT TGG AAG CTT TTG TTT ATA GGA ACT					
873	882	891	900	909	918
TGT AGG GCT CAT TTT GGT TTC ATT GAA ACA GTA TCT AAT TAT AAA TTA GCT GTA					
927	936	945	954	963	972
GAT ATC AGG TGC TTC TGA TGA AGT GAA AAT GTA TAT CTG ACT AGT GGG AAA CTT					
981	990	999	1008	1017	1026
CAT GGG TTT CCT CAT CTG TCA TGT CGA TGA TTA TAT ATG GAT ACA TTT ACA AAA					
1035	1044	1053	1062	1071	1080
ATA AAA AGC GGG AAT TTT CCC TTC GCT TGA ATA TTA TCC CTG TAT ATT GCA TGA					
1089	1098	1107	1116	1125	1134
ATG AGA GAT TTC CCA TAT TTC CAT CAG AGT AAT AAA TAT ACT TGC TTT AAT TCT					
1143	1152	1161	1170	1179	1188
TAA GCA TAA GTA AAC ATG ATA TAA AAA TAT ATG CTG AAT TAC TTG TGA AGA ATG					
1197	1206	1215	1224	1233	1242
CAT TTA AAG CTA TTT TAA ATG TGT TTT TAT TTG TAA GAC ATT ACT TAT TAA GAA					
1251	1260	1269	1278	1287	1296
ATT GGT TAT TAT GCT TAC TGT TCT AAT CTG GTG GTA AAG GTA TTC TTA AGA ATT					

FIGURE 1C

1305 1314 1323 1332 1341 1350

TGC AGG TAC TAC AGA TTT TCA AAA CTG AAT GAG AGA AAA TTG TAT AAC CAT CCT

1359 1368 1377 1386

GCT GTT CCT TTA GTG CAA TAC AAT AAA ACT CTG AAA TTA AAA A 3'

FIGURE 1D

1	M A F T F A A F C Y M L A L L L T A A L	1318847
1	M A F N F T A F T Y I V A L I G D A F L	GI 886769
21	I F F A I W H I I A F D E L K T D Y K N	1318847
21	I F F A I F H V I A F D E L K T D Y K N	GI 886769
41	P I D Q C N T L N P L V L P E Y L I H A	1318847
41	P I D Q C N S L N P L V L P E Y L L H I	GI 886769
61	F F C V M F L C A A E W L T L G L N M P	1318847
61	F L N L L F L F C G E W F S L C I N I P	GI 886769
81	L L A Y H I W R Y M S R P V M S G P G L	1318847
81	L I A Y H I W R Y K N R P V M S G P G L	GI 886769
101	Y D P T T I M N A D I L A Y C Q K E G W	1318847
101	Y D P T T V L K T D T L Y R N M R E G W	GI 886769
121	C K L A F Y L L A F F Y Y L Y G M I Y V	1318847
121	I K L A V Y L I S F F Y Y I Y G M V Y S	GI 886769
141	L V S S	1318847
141	L I S T	GI 886769

FIGURE 2

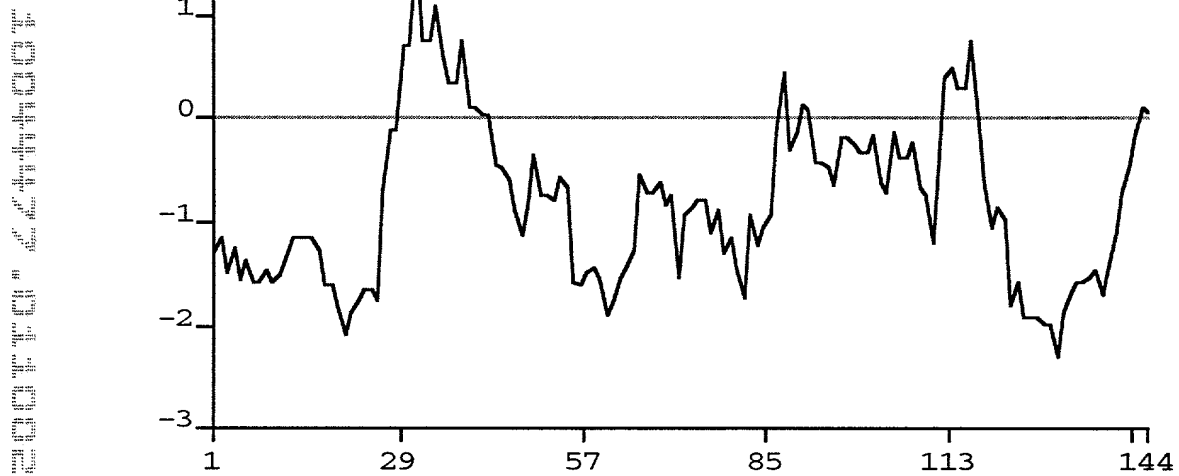


FIGURE 3A

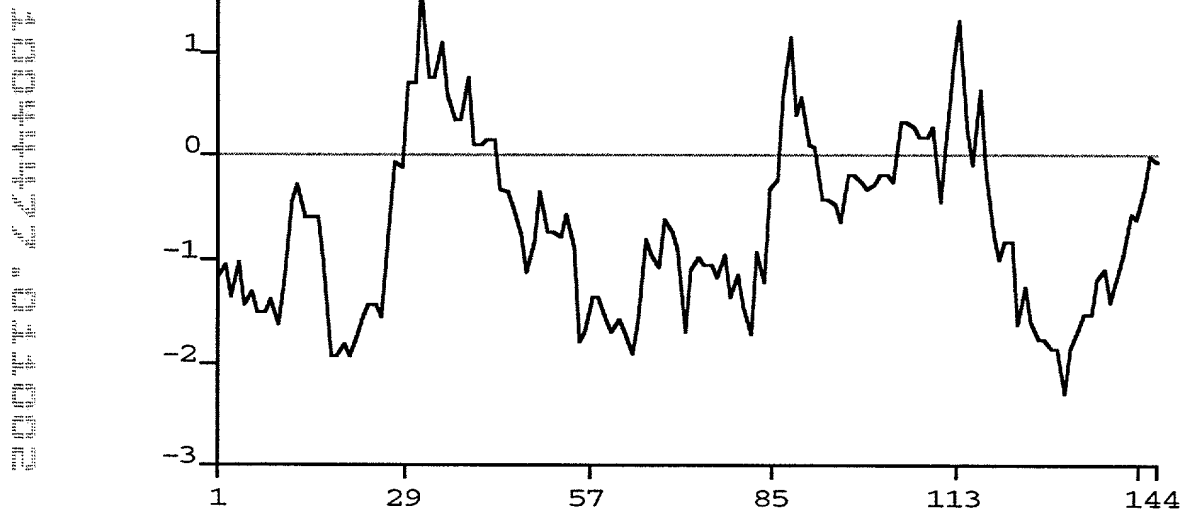


FIGURE 3B